

hapo2LI 34 D C A G D F H K K I G L F C C R G C P A G H Y L K A P C T E P C G N S T C L
 htNFR1 43 V C P Q G K . . . Y I H P Q N N S I C C T K C H K G T Y L Y N D C P G P Q D T D C R
 htNFR2 39 T C R L R E . . . Y Y D O T A Q M C C S K C S P G Q H A K V F C T K T . S D T V C D
 htNFRip 42 T C R D Q E K E . Y Y E P Q H R I C C S R C P P G T Y V S A K C S R I . R D T V C A
 hFAS/Apo1 48 N L E G L H H D G Q F C H K P C P P G E R K A R D C T V N G D E P D C V
 hLNGFR 31 A C P T G L Y T H S G E C C A C N L G E G V A Q P C G A . . . N Q T V C E
 hCD40 25 A C R E K Q Y L I N S Q C C S L C Q P G Q K L V S D C T E F . T E T E C L
 hCD27 26 S C P E R H Y W A Q G K L C C Q M C E P G T F L V K D C D Q H R K A A Q C D
 hCD30 28 T C H G N P S H . Y Y D K A V R R C C Y R C P M G L F P T Q Q C P O R . . . P T D C R K
 hox40 30 H C V G D T Y P S N D R C C H E C R P G N G M V S R C S R S . Q N T V C R

hapo2LI 72 V C P O D . T F L A W E N H H S E C A R C . Q A C D E Q A S Q V A L E N C S A V A D T R C G
 htNFR1 83 E C E S G . S F T A S E N H L R H C L S C . S K C R K E M Q Q V E I S S C T V D R D T V C G
 htNFR2 77 S C E D S T Y T O L W N V . P E C L S C G S R C S S . . . D Q V E T Q A C T R E Q N R I C T
 htNFRip 82 T C A E N S Y N E H W N Y L . T I C Q L C . R P C D P V M G L E E I A P C T S K R K T Q C R
 hFAS/Apo1 84 P C Q E G K E Y T D K A H F S S K C R R C . R L C D E G H G L E V E I N C T R T Q N T K C R
 hLNGFR 66 P C L D S V T F S D V V S A T E P C K P C . T E C V G L . . . Q S M S A P C V E A D A V C R
 hCD40 61 P C G E S E F L D T W N R E . T H C H Q H . K Y C D P N L G L R V Q Q K G T S E T D T I C T
 hCD27 64 P C I P G V S F S P D H H T R P H C E S C . R H C N S G L L V R N C T I T A N A E C A
 hCD30 68 Q C E P D . Y Y L D E A D R C T A G . V T C S R D D L V E K T . P C A W N S S R V C E
 hox40 66 P C G P G . F Y N D V V S S K P . C K P C . T W C N L R S G S E R K Q L C T A T Q D T V C R

FIG. 2A

hAp02LI	116	CKP	G	W	F	V	E	C	Q	V	S	Q	V	S	S	P	F	Y	C	Q	P	C	L	D	C	G	A	L	H	R	H	T	R	L	L	C	S	R	R	D	-	T	D	C	G	-	-	T																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																						
hTNR1	127	CRK	N	Q	R	Y	H	Y	W	S	E	N	L	-	-	-	F	Q	C	F	N	C	S	L	C	L	N	G	-	-	T	V	H	L	S	C	Q	E	K	Q	N	T	V	C	-	-	T																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																							
hTNR2	120	CRP	G	W	Y	C	A	L	S	K	Q	E	G	-	-	-	R	L	C	A	P	L	R	K	C	R	P	G	-	F	G	V	A	R	P	G	T	S	D	V	V	C	K	-	P																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																									
hTNRrp	126	QCP	G	M	F	C	A	A	W	A	L	E	C	-	-	-	T	H	C	E	L	S	D	C	P	P	G	T	E	A	E	L	K	D	E	V	G	K	N	H	C	V	-	P																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																										
hFAS/Apo1	129	CKP	N	F	-	-	C	N	S	T	V	C	-	-	-	E	H	C	D	P	C	T	K	C	E	H	G	I	-	-	-	I	K	E	C	T	L	S	N	T	K	C	K	-																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																										
hLNGFR	109	CAY	G	Y	Y	Q	D	E	T	-	-	-	-	-	-	G	R	C	E	A	C	R	V	C	E	A	G	S	G	L	-	V	F	S	C	Q	D	K	Q	N	T	V	C	E	-	E																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																								
hCD40	105	CEE	G	W	H	C	T	S	E	A	C	-	-	-	-	E	S	C	V	L	H	R	S	C	S	P	G	F	G	-	V	K	Q	I	A	T	G	V	S	D	T	I	C	E	-	P																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																								
hCD27	106	CRN	G	W	Q	C	R	D	K	E	C	-	-	-	-	T	E	C	D	P	N	P	S	L	T	A	R	S	S	Q	A	L	S	P	H	P	Q	P	T	H	L	P	-																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																											
hCD30	108	-	C	R	P	G	M	F	C	S	T	S	A	V	N	S	C	-	-	A	R	C	F	F	H	S	V	C	P	A	G	M	I	V	K	F	P	G	T	A	Q	K	-	N	T	V	C	-																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																						
hOX40	109	-	C	R	A	G	T	O	P	L	D	S	Y	K	P	G	-	-	-	V	D	C	A	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																							
hAp02LI	164	CLP	G	F	Y	E	H	G	D	-	-	-	G	V	S	C	P	T	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																						
hTNR1	168	CHA	G	F	F	L	R	E	N	-	-	-	E	C	V	S	C	S	N	C	K	K	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																					
hTNR2	164	CAP	G	T	F	S	N	T	S	S	T	D	I	C	R	P	H	Q	I	C	N	V	V	A	I	P	G	N	A	S	M	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																			
hTNRrp	170	CKA	G	H	F	O	N	T	S	S	P	S	A	R	C	Q	P	H	T	R	C	E	N	Q	G	L	V	E	A	A	P	G	T	A	Q	S	D	T	T	C	K	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																		
hLNGFR	149	CPD	G	T	Y	S	D	E	A	N	H	V	D	P	C	L	P	C	T	V	C	E	D	T	E	R	Q	L	R	E	C	T	R	W	-	A	D	A	E	C	E	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																	
hCD40	146	CPV	G	F	F	S	N	V	S	S	A	F	E	K	C	H	P	W	T	S	C	E	I	T	K	D	L	V	V	Q	Q	A	G	T	N	K	T	D	V	V	C	G	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																
hOX40	127	PCP	P	G	H	F	S	P	G	D	-	-	N	Q	A	C	K	P	W	T	N	C	T	L	A	G	K	H	T	L	Q	P	A	S	N	S	S	D	A	I	C	E	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-

FIG. 2B

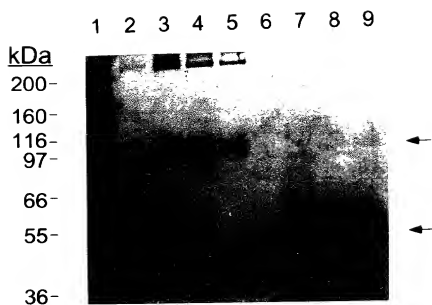


FIG. 3

1 CGGCGCCTGC GGGCGCGGG CTGAAGGCGG AACACAGAG ACCAGAGAGC ACGAGCGCG
61 GAAGCCCCCTG GGCGCCCGTC GGAGGCTAT GGAGCAGCGG CCGCGGGGCT GCGCGGCGT
1 M F O R P R G C A A V
121 GCGCGCGCG CTCTCTCTGG TCTCTCTGG GGC CGCGGCC CAGGCGGCA CTCGTAGCCC
12 A A A L L L V L L G A R A Q G G T R S P
181 CAGGTGTGAC TGTGCGGCTG ACTTCCACA GAAGATTGGT CTGTTTGTG GCAGAGGCTG
32 R C D C A G D F H K K I G L F C C R G C
241 CCGAGCGGG CACTACCTGA AGGCCCGCTG CAGGAGGCC TCGGCAACT CCACCTCCCT
52 P A G H Y L K A P C T E P C G N S T C L
301 TGTGTGTCC CAGACACCT TCTTGGCGTG GGAGAACAC CATAATTCTG AATGTCCCG
72 V C P Q D T F L A W E N H H N S E C A R
361 CTGCCAGGC TGTGATGAG AGCCCTCCA GGTGGCGTG GAGACTGTT CAGCACTGGC
92 C Q A C D E Q A S Q V A L E N C S A V A
421 CGACACCGC TGTGGCTGTA AGCCAGGCTG GTTGTGGAG TCCAGGTCA GCCAATGTG
112 D T R C G C K P G W F V E C Q V S Q C V
481 CAGCAGTTCA CCTTCTACT GCCAACCATG CTTAGACTGC GGGCGCTGC ACCGACAC
132 S S S P F Y C Q P C L D C G A L H R H T

FIG. 4A

541 AGGGCTACTC TGTTCGCCA GAGATACTGA CTGTGGGACC TGCTGCTCTG GCCTCTATGA
 152 R L L C S R R D T D C G T C L P G F Y E
 601 ACATGGGAT GGTGGCTGT CCTGCCCCAC GAGCACCTTG GAGAGCTCTC CAGAGCGCTG
 172 H G D G C V S C P T S T L G S C P E R C
 661 TGCCGCTGTC TGTGGCTGGA GGCAGATGTT CTGGGTCCAG GTGCTCTCTGG CTGGCCTTGT
 192 A A V C G W R Q M F W V O V L L A G L V
 721 GGTCCCGCTC CTGCTTGGGG CCACCTGAC CTACACATAC CGCCACTGCT GCCTCACAA
 212 V P L L L G A T L T Y T Y R H C W P H K
 781 GCGCTGGTT ACTGCAGATG AAGCTGGAT GGAGCTCTG ACCCCACCA CCGCCACCCA
 232 P L V T A D E A G M E A L T P P A T H
 841 TCTGTACCC TTGGACAGG CCGACACCT TCTAGCACCT CCTGACAGCA GTGAGAAGAT
 252 L S P L D S A H T L L A P P D S S E K I
 901 CTGCACCGTC CAGTTGGTGG GTACAGCTG GACCCCTGGC TACCCCGAGA CCGAGAGGC
 272 C T V Q L V G N S W T P G Y P E T Q E A
 961 GCTTGGCCCG CAGTGAACAT GGTCTGGGA CCAATTGCC AGCAGAGCTC TTGGCCCGCG
 292 L C P Q V T W S W D Q L P S R A L G P A
 1021 TGCTGGCCCC ACACCTCGC CAGAGTCCC AGCGGCTCG CCGAGCATGA TGCTGCAGCC
 312 A A P T L S P E S P A G S P A M M L Q P

FIG. 4B

1081 GGGCCCGCAG CTCTACAGC TGATGACGC GGTCCAGCG CGGCGCTGGA AGGAGTTGCT
 332 G P Q L Y D V M D A V P A R R W K E F V
 1141 GGCACGCTG GGGCTGCGG AGGCAGAGAT CGAGCCGTC GAGTGGAGA TCGGCCGCTT
 352 R T L G L R E A E I E A V E V E I G R F
 1201 CGAGACACAG CAGTACGAGA TGCTCAAGC CTGGCGCCAG CAGCAGCCG CGGCGCTCGG
 372 R D Q Q Y E M L K R W R Q Q P A G L G
 1261 AGCGTTTAC GGGGCCCTGG AGGCGATGG GCTGGACGGC TCGTGGAG ACTTCCGCA
 392 A V Y A A L E R M G L D G C V E D L R S
 1321 CGGCTGCGAG CGGGGCCGCT GACACGGCG CCACITGCCA CCTAGGCGCT CTGGTGGCC
 412 R L Q R G P
 1381 TTGCAAGC CCTAAGTACG GTTACTATG CGTGTAGACA TTTTATGTCA CTATTATAGC
 1441 CGTGGCAGC GCGCTGCGTA GCAGCACCAG CCGGCCCCAC CCTGCTCGC CCTATCGCT
 1501 CAGCCCAAG CGAAGACCA CGAACCAATG TCGAGAGGGG GTGAAGACAT TTCTCAACTT
 1561 CTGGCCCGGA GTTTGGTGA GATCGCGTA TTAATCTGT GAAGAAAC AAAAAAAAAA
 1621 AAAAAAAAAA AAAA

FIG. 4C

Apo3	1	M	E	Q	R	P	R	G	C	A	V	A	A	L	L	V	L	L	G	A	R	A	Q	G	T	R	S	P	R	-----																			
TNFR1	1	M	G	L	S	T	V	P	D	L	L	P	L	-	V	L	L	L	V	G	I	P	S	C	V	I	G	L	V	P	H	L	G	D	R	E	K	R	D	S	V								
Fas/Apo1	1	M	L	G	I	N	T	L	L	P	L	V	L	T	S	V	A	R	L	S	S	K	S	V	N	A	Q	V	T	D	I	N	S	K	G	L	E	L	R	K	T	V	T	V					
Apo3	33	C	D	C	A	G	D	F	H	K	K	I	G	L	F	C	C	R	G	C	P	A	G	H	Y	L	K	A	P	C	T	E	P	C	G	N	S	T	C	L	V								
TNFR1	44	C	P	Q	G	K	Y	I	H	P	Q	N	Y	S	I	C	C	T	K	C	H	K	G	T	Y	L	N	D	C	P	G	P	Q	D	T	D	C	R	E										
Fas/Apo1	45	E	T	Q	N	L	E	G	L	H	D	G	Q	F	C	H	K	P	C	P	P	G	E	R	K	A	R	D	C	T	V	N	G	D	E	P	D	C	V	P									
Apo3	73	C	P	Q	D	T	F	L	A	W	E	N	H	H	N	S	E	C	A	R	C	Q	A	C	D	E	Q	A	S	Q	V	A	L	E	N	C	S	A	V	A	D	T	R	C	G				
TNFR1	85	C	E	S	G	S	F	T	A	S	E	N	H	L	R	H	-	C	L	S	C	S	K	C	R	K	E	M	G	Q	V	E	I	S	S	C	T	V	D	R	D	T	V	C	G				
Fas/Apo1	85	C	Q	E	G	K	E	Y	T	D	K	A	H	F	S	K	C	R	C	R	L	C	D	E	G	H	G	L	E	V	E	I	N	C	T	R	T	Q	N	T	K	C	R						
Apo3	117	C	K	P	G	W	F	V	E	C	Q	V	S	Q	C	V	S	S	S	P	F	Y	C	Q	P	C	L	D	C	G	A	L	H	R	H	T	R	L	L	C	S	R	D	-	T	D	C	G	T
TNFR1	127	C	R	K	N	Q	Y	R	H	Y	W	S	E	N	L	F	Q	-	-	-	C	F	N	C	S	L	C	L	N	G	T	V	H	L	S	-	-	C	Q	E	K	Q	N	T	V	C	T	-	
Fas/Apo1	129	C	K	P	N	F	-	-	C	N	S	T	V	C	E	H	-	-	-	-	C	D	P	C	T	K	C	E	H	G	I	K	E	-	-	-	C	T	L	T	S	N	T	K	C	K	E		
Apo3	165	C	L	P	G	T	Y	E	H	G	D	G	C	V	S	C	P	T	S	T	L	G	S	C	P	-	-	E	R	C	A	A	V	C	G	W													
TNFR1	168	C	H	A	G	F	F	L	R	E	N	E	C	V	S	C	S	-	-	-	-	N	C	K	K	S	L	E	C	T	K	L	C	L	P														

FIG. 5

Apo3	338	VMDA	V	P	A	R	R	K	E	F	V	R	T	L	G	L	R	E	A	E	I	E	A	V	E	I	G	R	-	F	R	D	Q	Q	Y	E			
TNFR1	333	V	E	N	V	P	P	L	R	K	E	F	V	R	L	G	L	S	D	H	E	I	D	R	L	E	L	Q	M	G	R	-	C	L	R	E	A	Q	Y
Fas/Apo1	220	I	A	G	V	M	T	L	S	Q	V	K	G	F	V	R	K	N	G	V	N	E	A	K	I	D	E	I	K	N	D	N	V	Q	D	A	E	Q	K
FADD	104	I	C	D	N	V	G	K	-	D	N	R	L	A	R	Q	L	K	V	S	D	T	K	I	D	S	I	E	D	R	Y	P	R	N	-	L	T	E	
TRADD	211	N	R	P	L	S	L	K	-	D	Q	T	F	A	R	S	V	G	L	K	W	R	K	V	G	R	-	S	L	Q	R	G	C	R	A	L	E		
RIP	291	I	R	E	N	L	G	K	-	H	W	K	N	C	A	R	K	L	G	F	T	Q	S	A	I	D	E	I	D	H	D	Y	E	R	D	G	L		
Reaper	1	M	A	V	A	F	Y	I	P	D	Q	A	T	L	L	R	E	A	E	Q	K	E	Q	Q	I	L	R	-	L	R	E	S	Q	W	R				
Apo3	378	M	L	K	N	W	R	Q	Q	P	-	-	A	G	L	G	A	V	A	A	L	E	R	M	G	L	-	D	G	C	V	E	D	L	R	S			
TNFR1	374	M	L	A	T	W	R	R	E	T	P	R	R	E	A	T	L	E	L	G	R	V	L	E	R	D	M	D	L	-	L	G	C	L	E	D			
Fas/Apo1	261	L	L	R	N	W	H	Q	L	H	G	-	K	K	E	A	Y	D	T	L	I	K	D	L	K	K	A	N	L	C	T	I	A	-	E	K			
FADD	144	S	L	R	I	W	K	N	T	E	-	K	E	N	T	V	A	H	L	V	G	A	L	R	S	C	-	-	Q	M	N	L	V	A	D				
TRADD	251	S	L	A	Y	E	R	E	G	L	Y	E	Q	A	F	Q	L	L	R	R	F	V	-	Q	A	E	G	R	R	A	T	L	Q	R	L				
RIP	332	M	L	Q	K	W	V	M	R	E	G	I	K	G	A	T	V	G	K	L	A	Q	A	L	H	Q	-	-	S	R	I	D	L	S					
Reaper	34	F	L	A	T	V	V	L	E	T	L	K	Q	Y	T	S	C	H	P	K	T	G	R	K	S	G	K	Y	R	K	P								

FIG. 6

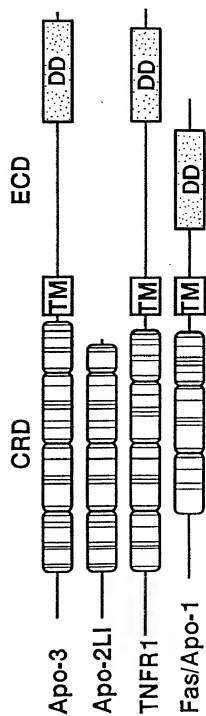


FIG. 7

FIG. 9A



FIG. 9B

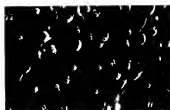


FIG. 9C



FIG. 9D



FIG. 9E

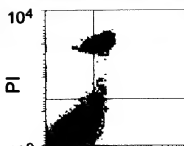


FIG. 9F

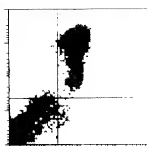


FIG. 9G

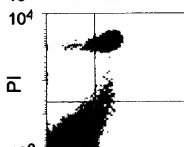


FIG. 9H



FIG. 9I

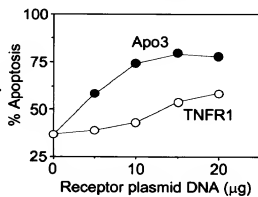


FIG. 9J

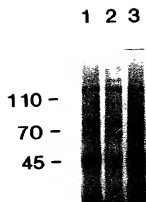


FIG. 8

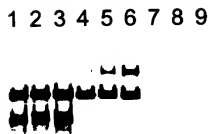


FIG. 10

Transfection

PRK5
TNFR1
Apo-3



◀ Phospho-C-Jun

FIG. 11



FIG. 12